

Universidade Estadual de Maringá Centro de Ciências Exatas Departamento de Física

Trabalho de Conclusão de Curso

Estudando a função de autocorrelação no jogo Pedra Papel e Tesoura

Acadêmico: José Vítor de Oliveira Silva

Orientador: Prof. Dr. Breno Ferraz de Oliveira

Maringá, 25 de fevereiro de 2016



Universidade Estadual de Maringá Centro de Ciências Exatas Departamento de Física

Trabalho de Conclusão de Curso

Estudando a função de autocorrelação no jogo Pedra Papel e Tesoura

Trabalho de Conclusão de Curso apresentado ao Departamento de Física da Universidade Estadual de Maringá, sob orientação do professor Dr. Breno Ferraz de Oliveira, como parte dos requisitos para obtenção do título de bacharel em Física.

Acadêmico: José Vítor de Oliveira Silva

Orientador: Prof. Dr. Breno Ferraz de Oliveira

Maringá, 25 de fevereiro de 2016

Sumário

Agradecimentos i				
R	Resumo			
Introdução			1	
1	Mé	todos Computacionais	4	
	1.1	Derivada Numérica	4	
		1.1.1 Derivada primeira	4	
		1.1.2 Derivada Segunda	5	
	1.2	Erro Analitico	6	
	1.3	Transformada de Fourier	7	
		1.3.1 Integral Númerica	7	
		1.3.2 Transformada de Fourier	8	
	1.4	Método de Euler e Runge-Kutta.	11	
		1.4.1 Método de Euler	12	
		1.4.2 Método de Runge-Kutta	12	
		1.4.3 Runge-Kutta de Quarta Ordem	13	
2	R.P	P.S.	14	
	2.1	Pedra, Papel, Tesoura	14	
	2.2	Modelo Estocástico	15	
	2.3	Modelo de Campo Médio	16	
3	Res	Resultados 1		
	3.1	Modelo Estocástico	18	
	3.2	Modelo de May-Leonard	21	
	3.3	Função de Autocorrelação	24	
С	Conclusões			
R	Referências Bibliográficas			

Agradecimentos

Gostaria de agradecer ao meu orientador Dr. Breno Ferraz de Oliveira pela orientação e pela paciência e dedicação transmitida ao meu trabalho. Aos meus colegas de graduação, pelo companheirismo durante o curso. E por último e não menos importante gostaria de agradece aos meus familiares por todo o apoio dado.

Resumo

No decorrer deste trabalho foi estudado a dinâmica de população com três espécies que interagem entre si conforme as regras do jogo pedra tesoura e papel, ou seja, competindo de maneira cíclica. No decorrer do estudo foram utilizados dois modelos para descrever esta interação, o modelo Estocástico e o modelo de May-Leonard. Foi observado padrões espirais com três braços e que a evolução desses padrões no tempo levam a espirais com larguras características L com valor constante, assegurando dessa forma a existência de mais de três espécies na rede. Com objetivo de quantizar L foi calculado a função de autocorrelação.

Introdução

No ano de 1996 foi realizado um trabalho onde foi observado uma competição do tipo RPS (Rock Paper Scissors) [1]. Durante o trabalho foram estudados padrões de comportamento de machos da espécies e uso do território da espécie de lagarto *Uta stansburiana*. A forma com a qual os machos defendem seu território é determinada de maneira genética e pode ser identificada a partir do padrão de cores da garganta dos machos. Nos machos com garganta alaranjada é observado um comportamento mais agressivo e grandes territórios. Em machos com garganta azul é observado um comportamento menos agressivo em relação aos de garganta laranja, e com territórios menores. Os machos de garganta amarela não possuem nenhum comportamento territorial, ou seja eles não tem um território somente deles, para reprodução eles usam de furtividade uma vez que sua coloração é parecida com a das fêmeas.



Figura 1: Padrões de coloração da espécie de lagarto Uta stansburiana

Como o lagarto de coloração laranja tem uma área muito grande para vigiar fica difícil vigiar todos os fêmeas do território, o lagarto amarelo se aproveita desta situação e se infiltra no meio das fêmeas para se reproduzir . O lagarto Laranja por mais agressivo conquista os territórios do lagarto azul e assim fica com as fêmeas do território. O lagarto azul por sua vez por possuir um território menor, faz com que ele tenha mais controle sobre todos as fêmeas e assim possa detectar os lagartos amarelos invasores. As relações de acasalamento observadas entre os três lagartos se comportam de maneira , por ser hereditária ,gera um ciclo de seis anos de abundancia das estratégias, fazendo com que se mantenha a diversidade do sistema.



Figura 2: Interação cíclica entre os lagartos da espécies Uta stansburiana

No ano de 2002 foi publicado na revista Nature [2] um experimento realizado com bactérias, onde foi mostrado que as regras do jogo RPS podem ser utilizadas para explicar o padrão formado pelas colonias dessas bactérias. Posteriormente em [3] os autores mostram por meio de simulações que a introdução da mobilidade pode alterar de maneira significativa os esses padrões. Uma forma de quantificar esses padrões consiste em calcular a função de autocorrelação.

A função de autocorrelação é uma ferramenta matemática muito importante para estudar a evolução espacial de uma rede. Essa pode ser encontrada após o cálculo da seguinte integral (recomendamos [4] para mais detalhes):

$$C(\vec{r}) = \int_{\text{toda rede}} \phi(\vec{r}) \phi(\vec{r} + \vec{r'}) d\vec{r'} \; .$$

onde $\phi(\vec{r})$ é um campo escalar que descreve o valor de alguma grandeza física em todos os pontos da rede. Apesar das informações que a função de autocorrelação pode fornecer, há um custo computacional tão elevado que pode inviabilizar seu cálculo. Uma forma de contornar esse problema consiste em calcular a função de autocorrelação no espaço de Fourier, isto é,

$$S(\vec{k}) = \phi(\vec{k})\phi^*(\vec{k}) ,$$

onde $\phi^*(\vec{k})$ é o complexo conjugado do campo $\phi(\vec{k})$ no espaço de Fourier. Note que agora não há mais a dependência da integral. A transformada inversa da função $S(\vec{k})$ fornece a função de autocorrelação $C(\vec{r})$ [4]. A transformada do campo $\phi(\vec{r})$ e a transformada inversa da função $S(\vec{k})$ podem ser feitas utilizando a biblioteca FFTW (*Fastest Fourier Transform in the West*). Durante este trabalho de conclusão de curso iremos simular estas interações utilizando simulações estocásticas e soluções de equações diferenciais. Para tal propósito descreveremos alguns métodos computacionais que serão utilizados neste trabalho.

No capitulo 1 serão apresentados métodos de cálculo numérico, estes serão implementados durante a escrita do programa que ira fazer as simulações usando o modelo de equações diferenciais. No capítulo 2 serão apresentadas as regras que do jogo pedra papel e tesoura que será adotada durante as simulações. No capítulo 3 serão apresentados os resultados e feitas considerações sobre os resultados das simulações. Os códigos usados durante as simulações se encontram nos apêndices.

Capítulo 1

Métodos Computacionais

Neste capítulo serão apresentados métodos de cálculo numérico. Estes métodos serão utilizados para escrever o código computacional que irá realizar as simulações com equações diferenciais.

1.1 Derivada Numérica

1.1.1 Derivada primeira

Matematicamente a definição de derivada para uma função f(x) é dada por

$$\frac{d}{dx}f(x) = f'(x) = \lim_{h \to 0} \frac{f(x+h) - f(x)}{h},$$
(1.1)

onde h é um passo da função f(x) [5]. Como no computador não é possível fazer $h \to 0$ é necessário encontrar uma expressão que leva em conta o tamanho h. A fim de encontrar uma expressão para a derivada da f(x) faremos a expansão de f(x) em série de Taylor em torno de um ponto arbitrário que chamaremos de ponto a

$$f(x) = f(a)(x-a)^{0} + f'(a)(x-a)^{1} + \frac{(x-a)^{2}f''(a)}{2} + \dots$$
(1.2)

Como estamos procurando uma expressão para f'(x) e não para f'(a) iremos fazer a expansão da função f(x+h) em torno do ponto a = x.

$$f(x+h) = f(x) + hf'(x) + \frac{h^2 f''(x)}{2} + \dots$$

Usando os dois primeiros termos é possível estimar a derivada como

$$f'(x) \approx \frac{f(x+h) - f(x)}{h},$$

logo

$$f'(x) = \frac{f(x+h) - f(x)}{h} + \mathcal{O}(h).$$
 (1.3)

O termo $\mathcal{O}(h)$ representa o erro da derivada. No caso a ordem do erro da f'(x) é da ordem h.

Também é possível definir a derivada de outra forma, para tal feito iremos usar expansão em série de Taylor da equação(1.2), mas agora com f(x) = f(x - h), e a = x, assim obtemos a seguinte expressão

$$f'(x-h) = f(x) - hf'(x) + \frac{h^2 f''(x)}{2} \dots$$

Novamente tomando os dois primeiros termos é possível estimar a derivada como

$$f'(x) \approx \frac{f(x) - f(x - h)}{h} \approx f'(x) + \frac{h^2 f''(x)}{2} \dots$$

ou ainda,

$$f'(x) = \frac{f(x) - f(x - h)}{h} + \mathcal{O}(h).$$
 (1.4)

Suponha agora que a f seja definida por $f(x) = a + bx^2$. Temos que a sua derivada aproximada é igual a

$$f' = 2bx + bh \; ,$$

uma vez que sabemos o valor exato da derivada (f' = 2bx) é possível notar que a resposta é a mesma a menos de um termo bh, esse termo corresponde ao erro da derivada numérica. No entanto se b não é muito grande e se tomarmos um h pequeno teremos um resultado próximo ao exato. Porém não podemos tomar o valor de h muito pequeno, pois a subtração f(x + h) - f(x) pode gerar alguns arredondamentos e levando assim a uma perda de precisão.

Para que a nossa aproximação seja mais acurada precisamos adicionar mais termos da série de Taylor a nossa expressão. Dessa forma,

$$f(x \pm h) = f(x) \pm hf' + \frac{h^2 f''}{2}.$$

Subtraindo f(x+h) de f(x-h) e reagrupando os termos

$$f'(x) = \frac{f(x+h) - f(x-h)}{2h} - \frac{h^2 f'''}{6} + \dots,$$
(1.5)

é possível observar que o termo dominante no erro possui potência de h^2 , se nós truncarmos na derivada terceira.

1.1.2 Derivada Segunda

Para definir a derivada segunda basta tomar a derivada da derivada

$$f''(x) = \frac{f'(x+h) - f'(x-h)}{2h},$$
$$f'(x) = \frac{f(x+h) - f(x-h)}{2h},$$

substituindo f' em f'' temos

$$f''(x) = \frac{f(x+h+h) - f(x-h+h) - f(x-h+h) - f(x-h-h)}{2h2h},$$

reescrevendo

$$f''(x) = \frac{f(x+2h) - 2f(x) - f(x-2h)}{4h},$$

fazendo agora 2h como H e reescrevendo temos

$$f''(x) = \frac{f(x+H) - 2f(x) - f(x-H)}{H^2} + \mathcal{O}(H^2),$$
(1.6)

o erro neste caso, é da ordem de H^2 . Então agora surge uma dúvida "Qual é o melhor valor de H?".

1.2 Erro Analitico

Para mostrar a dependência de h no cálculo da derivada foi utilizada a derivada segunda da função e^x e diferentes valores de h. Como medida de erro, retiramos de [5] a seguinte expressão:

$$\epsilon = \log_{10} \left(\frac{f_{computador}'' - f_{exato}''}{f_{exato}''} \right), \tag{1.7}$$

onde $f''_{computador}$ é a derivada calculada de maneira numérica e f''_{exato} é o valor da derivada calculada de maneira analítica.

A fim de apresentar os dados obtidos de maneira simples foi confeccionado gráfico de ϵ por h.

Pela Figura 1.1 é possível notar que o melhor valor h para a derivada segunda de e^x é da ordem de 10^{-4} . É importante ressaltar que esse valor de h vale para e^x , nos outros casos, deve haver um outros valores de h que minimizem os erro. Respondendo a pergunta feita sobre qual o melhor valor de h, a melhor forma de se encontrar o valor de h é calcular o valor da derivada numérica e comparar com o valor da derivada calculada de maneira analítica .



Figura 1.1: Erro analítico.

1.3 Transformada de Fourier

Outro método essencial para nosso trabalho é aplicar a transformada de Fourier nas simulações. Para isso, é necessário introduzir conceitos como integral numérica que será abordada na próxima secção.

1.3.1 Integral Númerica

A integral possui um significado simples, se considerar a figura 1.2 a expressão (1.8) representa a areá S abaixo da curva começando em no ponto x = a e terminando no ponto x = b.



Figura 1.2: Representação da integral calculada do ponto a até o ponto b.

A integração numérica é usada quando não se sabe a expressão da f(x), neste caso a somatória (1.8) não é calculada no limite de $\Delta x_i \to 0$, mas em Δx_i pequenos. Para o caso de funções bem comportadas é possível usar $\Delta x_i = \Delta x$, ou seja todos os valores iguais. Assim a equação (1.8) fica da seguinte forma

$$I_{ab} = \Delta x \sum_{i=1}^{n} f(x_i) = \Delta x \sum_{i=1}^{n} f_i.$$
 (1.9)

Geometricamente calcular a integral dessa forma implica em construir um retângulo entre $x_i \in x_{i+1}$, de altura f_i , a cada $x_i \in a$ proximar a área entre a curva $f(x) \in o$ eixo xcomo a soma da área dos retângulos conforme mostra a figura 1.3.

E possível melhorar a aproximação da integral numérica se usarmos ao invés de retângulos, trapézios conforme mostra a figura 1.4.

Isto corresponde a fazer-se uma interpolação linear entre os pontos (x_i, f_i) consecutivos. A área do trapézio corresponde $(\frac{1}{2}(f_i + f_{i+1})\Delta x)$.

Somando-se as áreas dos trapézios consecutivos temos

$$I_{ab} = \Delta x (\frac{1}{2}f_1 + f_2 + f_3 + \dots + f_{n-1} + \frac{1}{2}f_N)I_{ab} = \Delta x \sum_{i=1}^N (f_i - \frac{1}{2}(f_1 + f_N)), \quad (1.10)$$



Figura 1.3: Representação da integral numérica calculada através do método da construção de retângulos



Figura 1.4: Representação da integral numérica calculada através do método de construção de trapézios

é possível notar que a diferença entre as duas equações (1.9) e (1.10) é o termo $-\frac{1}{2}(f_1+f_N)$, este termo corresponde a nossa melhora no valor da integral, porem se houver um grande número N esse termo se torna desprezível.

Durante as aproximações para para calcular a integral numérica tanto com retângulos na equação (1.9) quanto na equação (1.10) fixamos um mesmo valor para Δx_i , porem o valor de Δx_i não precisa ser necessariamente o mesmo.

Como foi definido a integral numérica agora é possível estudar transformada de Fourier.

1.3.2 Transformada de Fourier

A seguir usaremos a letra t para indicar a variável independente da função f(t), porém t não precisa necessariamente representar o tempo, na transformada de Fourier termos como variável independente ω "frequência angular", $\omega = 2\pi\nu$, onde ν é a frequência. Caso a variável t ser espacial o termo ω representa o "número de onda", $k = 2\pi\lambda$, no caso λ é o "comprimento de onda".

Seja f(t) uma função tal que [4]

$$g(\omega) = \int_{-\infty}^{\infty} e^{-(i\omega t)} f(t) d(t) = \mathcal{F}[f(t)], \qquad (1.11)$$

neste caso a função $g(\omega)$ representa a transformada de Fourier da função f(t).

Sua transformada inversa pode ser calculada da seguinte forma

$$f(t) = \frac{1}{2\pi} \int_{-\infty}^{\infty} e^{(i\omega t)} g(\omega) d\omega . \qquad (1.12)$$

A transformada de Fourier apresenta algumas propriedades [6], tais como:

Paridade

a) Caso f(t) ser real, então

$$\operatorname{Re}[g(-\omega)] = \operatorname{Re}[g(\omega)]$$
$$\operatorname{Im}[g(-\omega)] = -\operatorname{Im}[g(\omega)]$$

ou seja

$$g(-\omega) = g^*(\omega) \tag{1.13}$$

b) Se f(t) é real e par, então $g(\omega)$ é real;

c) Se f(t) é real e ímpar, então $g(\omega)$ é imaginária;

d) Se f(t) é imaginária então as propriedades a, b, c, acima, serão validas se trocarmos real por imaginária e vice e versa.

Transformada da Convolução

E possível definir a convolução da função $f_1(t)$ com a função $f_2(t)$ da seguinte forma

$$(f_1 \otimes f_2) = \int_{-\infty}^{\infty} f_1(t) f_2(\tau - t) d\tau, \qquad (1.14)$$

calculando a transformada de Fourier da convolução temos

$$\mathcal{F}[f_1 \otimes f_2] = \mathcal{F}[f_1]\mathcal{F}[f_2] = g_1(\omega)g_2(\omega).$$
(1.15)

Transformada da Autocorrelação

A função de autocorrelação para a função funções f(t) é definida da seguinte forma

$$Corr(f(t), f(t)) = \int_{-\infty}^{\infty} f(t)f(\tau + t)d\tau, \qquad (1.16)$$

A função de autocorrelação, é uma medida que informa como a função se relaciona com ela mesmo ao longo [7]. O valor da autocorrelação está entre 1 (correlação perfeita) e -1, o que significa anticorrelação perfeita o valor 0 significa total ausência de correlação.

A autocorrelação de uma dada variável se define pela distância, ou atraso com que se deseja medi-la. Quando essa distância é zero, tem-se o valor máximo 1, pois trata-se da variável correlacionada com ela mesma. Outros valores devem ser calculados caso a caso. A função de autocorrelação mede o quanto uma função se relaciona com ela mesmo ao longo do tempo ou do espaço. Apesar da semelhança com a convolução é possível notar que a variável de integração, t aparece com o sinal positivo em ambos os argumentos da função f(t), diferentemente da convolução onde a variável t aparece com sinal negativo no argumento da segunda f(t) (1.14).

Usando da propriedade da paridade (1.13) temos a transformada de Fourier como

$$\mathcal{F}[Corr(f(t), f(t)] = g(-\omega)g(\omega) = g^*(\omega)g(\omega).$$
(1.17)

Para a passagem anterior estamos supondo que a função f(t) é real, note que transformada de Fourier da Correlação não é igual ao produto das transformadas de Fourier da Correlação.

Transformada de Fourier Discreta

Nosso trabalho depende da utilização de redes, neste sentido é importante discretizar a Transformada de Fourier.

A discretização da Transformada de Fourier será feita utilizando a regra do trapézio. Supondo agora que o número de termos n da integral discretizada é suficientemente grande para que possamos desprezar a correção nas pontas $\frac{1}{2}(f_1 + f_n)$ assim

$$g(w_k) = \mathcal{F}[f_j] = \Delta t \sum_{j=1}^N e^{(-i\omega_k t_j)} f_j.$$
(1.18)

Eis que agora surge uma pergunta "Como definir os valores de ω_k ?". Como queremos manter a relação bi-unívoca entre $f \leftrightarrow g$, assim devemos usar o mesmo número n de ω_k que temos em t_j . Para se caracterizar uma variação na função f(t) é preciso realizar um deslocamento mínimo de seu valor original f_j . Esse deslocamento irá afetar a função f(t) num intervalo $\tau = 2\Delta t$. Assim este é o mínimo período de oscilação que pode ser visto em $g(\omega)$. A maior frequência relevante será, $\nu = \frac{1}{2\Delta t}$. Assim temos que $\omega_n = 2\pi\nu = \frac{\pi}{\Delta t}$.

Vamos reescrever a equação (1.18) na forma matricial. Para isto definimos a matriz quadrada (W) de elementos.

$$W_{ki} = e^{(-i\omega_k t_j)},$$

e os vetores coluna f, de elementos f_{j} e g, de elementos $g_{k}.$ Com isto a equação (1.18) fica

$$g = W * f. \tag{1.19}$$

Para se calcular a transformada inversa basta fazer o produto com a matriz inversa W^1 .

$$f = W^{-1} * g. \tag{1.20}$$

Transformada de Fourier Rápida

Para funções f(t) muito complexas, ricas em detalhes é necessário um número muito grande de N na discretização de t para garantir um gráfico fiel. Este problema se torna maior quando a variável independente tem duas ou três dimensões. Por exemplo, se t é espacial e é representada como $t \to r$.

Existe um algoritmo rápido e eficiente para contornar o problema, hoje ele é conhecido por "FFT" (*Fast Fourier Transform*), no que se segue iremos demonstrar brevemente a

ideia do algoritmo. Vamos tratar agora N como sendo uma potencia de 2, ou seja $N=2^n$, onde n é um número inteiro. Caso N não seja uma potencia de dois completamos f(t) com zeros até que N seja uma potencia de 2. Para facilitar é tomado $\Delta t = 1$ e as frequências angulares ω entre $[0,2\pi)$. A seguir será feito uso das seguintes notações $f_j = f(t_j)$ e $g_k = g(\omega_k)$, com $\omega_k = 0, \frac{2\pi}{N}, ..., \frac{2k\pi}{N}$... Assim reescrevendo a equação (1.19) temos

$$g_k = \sum_{j=0}^{N-1} \left[\exp(\frac{-2\pi i}{N}) \right]^{kj} f_j , \qquad (1.21)$$

Como N é par podemos separar a somatória na parte e impar e par, cada parte contendo $\frac{N}{2}$ termos:

$$g_{k} = \sum_{j=par}^{N-2} \left[\exp\left(\frac{-2\pi i}{N}\right) \right]^{kj} f_{j} + \sum_{j=impar}^{N-1} \left[\exp\left(\frac{-2\pi i}{N}\right) \right]^{kj} f_{j} = \frac{1}{2} \sum_{j=0}^{N-1} \left[\exp\left(\frac{-2\pi i}{N}\right) \right]^{k(2j)} f_{2j} + \sum_{j=0}^{N-1} \left[\exp\left(\frac{-2\pi i}{N}\right) \right]^{k(2j+1)} f_{2j+1} .$$
(1.22)

Denotando $W = \exp(\frac{-2\pi i}{N})$ e $N' = \frac{N}{2}$, reescrevendo a equação (1.22) temos

$$g_{k} = \sum_{j=0}^{N'-1} \left[\exp(\frac{2\pi i}{N'}) \right]^{kj} f_{2j} + W^{k} \sum_{j=0}^{N'-1} \left[\exp(\frac{2\pi i}{N'}) \right]^{kj} f_{2j+1},$$
(1.23)

$$g_k = g_k^{\text{par}} + W^k g_k^{\text{impar}}, \qquad (1.24)$$

onde g_k^{par} é a soma de todos os termos pares e g_k^{impar} é a soma de todos os termos ímpares, neste sentido acima a transformada de Fourier é dividida em 2 partes, um com pontos pares e outro com os pontos ímpares. Assim a equação (1.19) passa a conter $2N'^2 = \frac{N^2}{2}$ multiplicações em vez dos N^2 que tínhamos no início. Como havíamos definido N como sendo uma potência de 2 ($N = 2^n$) temos que $N' = 2^{n-1}$. Podemos separar a transformada de Fourier (1.24) em duas, cada uma para $\frac{N}{4}$. Dando continuidade ao processo até que a transformada se torne um único ponto. Pode se verificar que o processo todo terá $N \log(N)$ multiplicações em vez de N^2 que tínhamos no inicio. Se tivermos um número N muito grande é possível reduzir dias de computação para segundos [4].

Apesar de todos os benefícios a "fft" (Fast Fourier Transform) apresenta alguns inconvenientes que podem ser contornados. As frequências da fft são definidas entre $[0, 2\pi)$ com isso as componentes de baixa frequência da transformadas são encontradas no centro do gráfico e não nas extremidades. Além disso, por usar $\delta t = 1$ a transformada não informa sobre os valores das frequências, registrando na abscissa do gráfico apenas os índices das componentes de ω_k do vetor das frequências. Todos esses problemas podem ser corrigidos usando as propriedades da transformada de Fourier.

1.4 Método de Euler e Runge-Kutta.

No que se segue ira ser apresentado o método com o qual as equações diferenciais serão resolvidas durante as simulações.

1.4.1 Método de Euler

Seja t uma variável real definida entre $[0, t_{max}]$. Iremos obter uma solução numérica para uma equação diferencial ordinária de primeira ordem [4].

$$\frac{dx}{dt} = \dot{x} = f(x,t) . \qquad (1.25)$$

O primeiro passo a ser tomado no procedimento numérico é discretizar a variável contínua te substitui-la

$$t_1 = 0, \ t_2 = t_1 + \Delta t, \ t_3 = t_2 + \Delta t, ..., t_n = t_{max} \ ,$$

em alguns casos o intervalo Δt pode não ter um valor fixo.

Fazendo uso da seguinte notação \dot{x} para indicar derivada em relação a variável t, a derivada numérica é definida pela equação (1.3) sem o termo de erro

$$\dot{x}_j = \frac{x_{j+1} - x_j}{\Delta t},\tag{1.26}$$

e a forma mais precisa usando a equação (1.5)

$$\dot{x}_{j} = \frac{x_{j+1} - x_{j-1}}{2\Delta t},\tag{1.27}$$

reescrevendo a equação (1.26) junto com a equação (1.25) temos

$$x_{j+1} = x_j + \Delta t f(x_j, t_j).$$
(1.28)

O método apresentado anteriormente para a resolução numérica de equações diferenciais de primeira ordem é conhecido como **Método de Euler**.

Analogamente é possível escrever a equação (1.27) em conjunto com com a equação (1.25)

$$x_{j+1} = x_{j-1} + 2\Delta t f(x_j, t_j).$$
(1.29)

1.4.2 Método de Runge-Kutta

A fim de melhorar a precisão da solução numérica calculada anteriormente no que se segue será apresentado o método de Runge-Kutta.

Ao retornar para a equação (1.28)

$$x_{j+1} = x_j + \Delta t f(x_j, t_j), \qquad (1.30)$$

ao fazer uso da simetria, é possível reescrever a equação (1.28) para o argumento da f ao extremo á direita do intervalo $[t_i, t_{i+1}]$

$$x_{j+1} = x_1 + \Delta t f(x_{j+1}, t_{j+1}), \tag{1.31}$$

para obter uma solução melhor que a equação (1.5) e a equação (1.31) será tomado o valor intermediário da função f,

$$x_{j+1} = x_j + \Delta t f(\frac{x_j + x_{j+1}}{2}, \frac{t_j + t_{j+1}}{2}).$$
(1.32)

Embora algum progresso tenha sido feito surge um novo problema, o valor de x_{j+1} dentro do argumento da f é desconhecido. Para contornar este problema será feito o uso da a equação (1.31) para obter uma primeira aproximação de x_{j+1} a se usar no argumento da f

$$x_{j+1} = x_j + \Delta t f(x_j + 0, 5\Delta t f(x_j, t_j), t_j + 0, 5\Delta t),$$
(1.33)

a equação (1.33) é chamada de **Runge-Kutta de segunda ordem**, ela também é conhecida como **Euler modificada**.

1.4.3 Runge-Kutta de Quarta Ordem

É possível melhorar ainda mais a precisão, no que se segue será apresentado o método de Runge-Kutta de quarta ordem [4].

Agora iremos abordar o método de **Runge-Kutta de quarta ordem**, o método em si se baseia em usarmos mais pontos intermediários no intervalo de $[t_j, t_{j+1}]$. Vamos agora considerar a equação (1.25) definindo agora $h = \frac{\Delta t}{2}$, o esquema é

$$F_{1} = f(x_{j}, t_{j})$$

$$F_{2} = f(x_{j} + hF_{1}, t_{j} + h)$$

$$F_{3} = f(x_{j} + hF_{2}, t_{j} + h)$$

$$F_{4} = f(x_{j} + hF_{3}, t_{j} + \Delta t)$$

$$x_{j+1} = x_{j} + \frac{\Delta t}{6}(F_{1} + F_{2} + F_{3} + F_{4})$$
(1.34)

A principio é possível construir métodos de **Runge-Kutta** de qualquer ordem, para isso basta adicionar mais passos ao método, porém quanto mais passos o método possui maior é o número de vezes que se necessita calcular f(x,t), assim aumentando, ainda mais o tempo gasto. Para a maioria dos casos o método de segunda ordem já é o suficiente, além de possuir uma precisão muito boa ele é relativamente rápido de se calcular.

Capítulo 2

R.P.S.

Neste capítulo será abordado as regras do jogo RPS (Pedra-Tesoura-Papel), que serão usadas em nossas simulações.

2.1 Pedra, Papel, Tesoura

Para começar vamos imaginar três espécies (A, B, C) interagindo entre si de maneira cíclica com as seguintes regras a espécie A vence da espécie B, a espécie B vence a espécie C, e a espécie C vence a espécie A. O jogo RPS ilustra bem está competição cíclica.

No jogo RPS existe uma interação cíclica bem definida, a pedra sempre vence da tesoura que por sua vez sempre vence do papel e o papel sempre vence da pedra conforme ilustra a figura 2.1. Existem variações do jogo pedra, papel e tesoura uma variação muito conhecida é o pedra, tesoura, papel, lagarto, Spock conforme ilustra a figura 2.2, apesar de ter adicionado mais duas espécies a competição as mesmas obedecem a uma interação cíclica. Também existem estudos generalizado para n espécies interagindo [8]. Contudo o foco neste trabalho é o modelo com três espécies.



Figura 2.1: Ilustração da interação cíclica do jogo pedra tesoura e papel

Dando continuidade ao estudo com três espécies, cada espécie irá representar uma população de indivíduos, estas espécies estarão distribuídas de maneira aleatória em uma rede bidimensional de N colunas e linhas. Esta rede possui com condições de contorno periódicas, com N^2 sítios distribuídos na mesma conforme ilustra a figura. 2.3.

No que se segue será apresentado dois modelos para a Dinâmica de Populações, o Modelo Estocástico e o Modelo de May-Leonard. Porém existem na literatura estudos com modelos diferentes [9].

Antes de abordarmos os dois modelos, precisamos estabelecer o conceito de vizinhança. Iremos usar a vizinhança de Neumann neste trabalho. A vizinhança de Neumann consiste em quatro células ortogonais ao redor de uma celular bidimensional [10].



Figura 2.2: Ilustração da interação cíclica no jogo pedra, tesoura, papel, lagarto e Spock



Figura 2.3: Rede bidimensional com 4 linhas e colunas

Modelo Estocástico 2.2

No jogo RPS estocástico unidirecional cada espécie é representada por um estado (A, B, C) e por sítios vazios (\otimes), onde cada elemento pode predar e ser predado com uma probabilidade p. Existem também variações do modelo estocástico focando na interação simétrica presa e predador [11], mas o foco deste trabalho é o modelo unidirecional. Cada passo na rede é regido pela seguinte diretriz.

- 1. Um elemento da rede é sorteado, esse elemento recebe o nome de ativo
- 2. Um dos vizinhos mais próximos do elemento ativo é sorteado, o elemento recebe o nome de passivo.
- 3. Uma interação é sorteada (predação, reprodução, mobilidade) obedecendo os respectivos pesos definidos inicialmente
- 4. Caso a interação sorteada seja predação é verificado se o passivo pode ser predado, se sim o elemento passivo se torna um sítio vazio, se não nada acontece, a Figura 2.4 demonstra uma interação do tipo predação
- 5. Caso a interação de mobilidade seja sorteada ocorre a troca de posição entre o ativo e passivo, a Figura 2.5 demonstra uma interação do tipo mobilidade

6. Caso a interação seja reprodução é verificado de se o elemento passivo é um sitio vazio se sim o individuo é duplicado, se não nada acontece a figura 2.6 demonstra uma interação do tipo reprodução.



Figura 2.4: Demonstração de uma interação do tipo predação.



Figura 2.5: Demonstração de uma interação do tipo mobilidade.



Figura 2.6: Demonstração de uma interação do tipo reprodução.

A Figura 2.7 demonstra a evolução de uma rede após sete passos temporais. Foram sorteados sete elementos ativos, passivos, interações, e verificações de possibilidade de execução destas interações sorteadas.

Neste modelo a Geração é definida como sendo o número de passos temporais igual a N^2 , em média cada indivíduos da rede é sorteado uma vez a cada geração.

2.3 Modelo de Campo Médio

Na secção anterior foi apresentado o modelo estocástico. Neste modelo todas as ações e escolhas eram por processos aleatórios. O modelo que irá ser estudado a seguir é o modelo no qual todas as interações entre as espécies serão feitas por equações diferenciais. O modelo a ser estudado a seguir é conhecido como modelo de May-Leonard, este modelo incorpora as principais regras associadas a dinâmica de competição entre N espécies. No modelo simplificado, três espécies interagem entre si, cada espécie pode realizar três ações



Figura 2.7: A esquerda a rede dada como condição inicial, a direita temos a mesma rede após sete passos temporais.

(mobilidade, reprodução e predação). No entanto o modelo de May-Leonard não se limita a somente uma competição entre três espécies, existem generalizações na literatura com n espécies diferentes [11].

Neste trabalho será estudado o modelo com três espécies. Cada espécie será representada por um campo escalar (ϕ_1, ϕ_2, ϕ_3) e um campo (ϕ_0) que representa o vazio, distribuídos de maneira aleatória em uma rede, a evolução temporal de cada um dos campos é representada da seguinte forma,

$$\dot{\phi}_{i} = D_{i} \nabla^{2} \phi_{i} + r_{i,0} \phi_{i} \phi_{0} - \sum_{i=1}^{3} p_{i,i+1} \phi_{i} \phi_{i+1}$$
(2.1)

para as três espécies e

$$\dot{\phi_0} = D_0 \nabla^2 \phi_0 - \sum_{i=1}^3 r_{i,0} \phi_i \phi_0 + \sum_{i=1}^3 p_{i,i+1} \phi_i \phi_{i+1}$$
(2.2)

para representar o vazio.

O termo D_i é a constante difusiva da espécie, $r_{i,0}$ é constante reprodutiva da espécie i, e $p_{i,i+1}$ é a constante de predação da espécie i com a espécie i + 1.

O termo que contém o Laplaciano $(D\nabla_i^2 \phi_i)$ representa a ação de mobilidade da espécie dentro da rede. O termo $r_{i,0}\phi_0\phi_i$ representa a ação de reprodução dentro da rede. Note que para que qualquer espécie se reproduza é preciso que haja vazio no sítio. Note também que aqui é diferente do modelo estocástico, o vazio é tratado como uma espécie enquanto no modelo estocástico não. O papel da espécie vazio é evitar que haja na rede superpopulações em sítios. Por fim o termo $p_{i,i+1}\phi_i\phi_{i-1}$ representa o termo de predação de uma espécie com a outra. Neste termo temos uma interação entre duas espécies diferentes.

Em nosso modelo $r_{i,0} = r$ para as todas as espécies, e $p_{i,i+1} = p$ para as todas espécies, adotando o modelo de predação unidirecional assim como no jogo pedra papel e tesoura. Existem na literatura modelos com sentido bidirecional [11], mas não é o foco neste trabalho. Reescrevendo a equação (2.1) para todas as espécies temos

$$\dot{\phi}_1 = D\nabla^2 \phi_1 + r\phi_1 \phi_0 - p\phi_1 \phi_2 \tag{2.3}$$

$$\dot{\phi}_2 = D\nabla^2 \phi_2 + r\phi_2 \phi_0 - p\phi_2 \phi_3 \tag{2.4}$$

$$\dot{\phi}_3 = D\nabla^2 \phi_3 + r\phi_3 \phi_0 - p\phi_3 \phi_1$$
(2.5)

$$\dot{\phi}_0 = D\nabla^2 \phi_1 - r\phi_1 \phi_0 - r\phi_2 \phi_0 - r\phi_3 \phi_0 + p\phi_1 \phi_2 + p\phi_2 \phi_3 + p\phi_3 \phi_1 .$$
(2.6)

Capítulo 3 Resultados

No decorrer deste capítulo serão expostos os resultados das simulações feitas com o Modelo Estocástico e com o Modelo de May-leonard. Em todas as simulações foi usado uma rede de 500×500 , cada espécie foi distribuída na rede de maneira aleatória conforme ilustra a figura 3.1, cada simulação foi evoluída por com 10 mil gerações.



Figura 3.1: A esquerda a rede gerada aleatoriamente, a direita a mesma rede mas somente para os espaços vazios

3.1 Modelo Estocástico

No que se segue serão apresentadas simulações com o Modelo Estocástico. Em nossas simulações iremos usara seguinte equação para definir os valores de r, $p \in m$

$$r + p + m = 1,$$

onde p, r, e m são respectivamente predação, reprodução e mobilidade.

Iremos começar estudando a ação da mobilidade na rede. Para a primeira simulação será adotado m = 0, p = 0, 5 e r = 0, 5.

A primeira conclusão é que a rede evolui, a rede não forma nenhum padrão, porém ela forma algumas ilhas de espécies conforme mostra a figura 3.2.



Figura 3.2: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede estocastica com m = 0, p = 0, 5 e r = 0, 5.

Para a segunda simulação será introduzido a ação de mobilidade na rede. Usando os seguintes parâmetros m = 0, 8, p = 0, 1, e r = 0, 1.



Figura 3.3: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro m = 0, 8, p = 0, 1 e r = 0, 1.

É possível identifica que na figura 3.3b há a formação de padrões espirais nas simulações.

Para estudar o quanto a ação de mobilidade influencia nas espirais será feitos mais uma simulação. Na próxima simulação foi usado m = 1/3, p = 1/3 e r = 1/3.

E notável que na figura 3.4 o tamanho das espirais também diminui. Assim é possível notar que m está ligado ao tamanho das espirais. Ao aumentar m aumentamos as espirais. Diminuir m diminui as espirais.

No que se segue será estudado como os parâmetros de reprodução r e predação p



Figura 3.4: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro m = 1/3, p = 1/3 e r = 1/3.

interferem na rede.

Para a quarta simulação foi tomado m = 0, 1, p = 0, 1 e r = 0, 8.



Figura 3.5: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro m = 0, 1, p = 0, 1 e r = 0, 8.

Para comparar com a simulação anterior foi realizado uma nova simulação, mas agora com os valores de $r \in p$ alternados.

E notável que ao comparar a Figura 3.5b com a Figura 3.6b é que na ultima não há a formação de padrões de espirais bem definidos. Na quarta simulação os padrões de espirais formam-se de maneira bem definida. A instabilidade gerada na quinta simulação se deve ao fato da combinação de uma baixa taxa de mobilidade combinada com uma alta taxa de predação.



Figura 3.6: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro m = 0, 1, p = 0, 1 e r = 0, 8.

3.2 Modelo de May-Leonard

No que se segue serão apresentadas simulações realizadas com o Modelo de May-Leonard. Usaremos a seguinte equação para definir os parâmetros $r, p \in D$

$$\frac{D}{2} + r + p = 1, (3.1)$$

onde r é a constante de reprodução, p é a constante de predação e D é a constante de difusão.

Iremos seguir a mesma ordem de estudos do modelo estocástico. Primeiro iremos estudar a influencia de mobilidade na rede. Posteriormente será estudado como a reprodução e predação interferem na rede.

Para a primeira simulação com o modelo de May-Leonard iremos adotar $p = 0, 5, r = 0, 5 \in D = 0,$

Pelo que pode ser visto no gráfico 3.7 a rede não evoluiu no tempo. A Figura 3.7a e a Figura 3.7b são iguais, mesmo após 10 mil gerações. Diferente do modelo estocástico, aqui a rede congelou no tempo.

Eis que surge a seguinte pergunta, "Por que a rede não evolui se colocarmos o parâmetro D = 0?". Para entender esta situação iremos olhar novamente para as equações (2.3), (2.4), (2.5). Cada equação possui um termo de predação p, reprodução r, e um termo de mobilidade D, para que os termos reprodução e predação consigam agir é preciso que mais de uma espécie coexista em um mesmo sítio. Como o nosso sorteio da rede somente sorteia uma única espécie por sítio, no início da rede somente temos uma espécie por sitio. O único termo da equação que não precisa que duas espécies coexistam em um mesmo sítio é o de mobilidade. Assim se D = 0 não existe mobilidade logo não existem duas espécies coexistindo em um mesmo sítio consequentemente a rede não consegue evoluir no tempo.

Para confirmar o que foi dito anteriormente foi realizado uma segunda simulação mas agora com o valor de D = 1, 6, p = 0, 1 e r = 0, 1.



Figura 3.7: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro D = 0, p = 0, 5 e r = 0, 5.



Figura 3.8: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro D = 1, 6, p = 0, 1 e r = 0, 1.

Como é possível analisar na Figura 3.8, com um valor de mobilidade D diferente de 0 a rede evolui no tempo. Além de evoluir no tempo, a rede forma um padrão de espirais com junções triplas. Estas espirais são muito semelhantes as da segunda simulação do modelo estocástico.

A fim de estudar a relação das espirais com o parâmetro difusivo D foi realizado uma nova simulação. Para a simulação novamente foram alterados os valores das constantes para D = 2/3, r = 1/3 e p = 1/3.

É possível notar que na Figura 3.9 a rede continua formando espirais semelhantes as da Figura 3.8, mas agora é notável que o tamanho das espirais mudou. As espirais da figura 3.9a são menores que as da figura 3.8a. Este fato acontece de maneira semelhante no modelo Estocástico. Ao diminuir a mobilidade em ambos os modelos, temos uma



Figura 3.9: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro D = 2/3, p = 1/3 e r = 1/3.

diminuição no tamanho das espirais.

Para a compreensão da mudança do tamanho das espirais vamos analisar o termo relacionado a mobilidade da equação (2.1) usando a derivada segunda na forma numérica

$$\frac{D(\phi_{+h} + \phi_{-h} - 4\phi)}{h^2} , \qquad (3.2)$$

onde h os termos subscritos $-h \in +h$ representam os vizinhos de ϕ .

O termo difusivo D é dividido pelo tamanho do passo h^2 . Ao aumentar ou diminuir o valor de D o valor da divisão D/h^2 muda. Ao analisar que ao aumentar o valor de D o valor de h^2 é diminuído a interação de ϕ é realizada com os vizinhos mais próximos. Dessa forma tem se impressão que as espirais formadas são maiores, mas na realidade estamos dando um *zoom* na rede. Analisando o cenário contrario, diminuindo o valor de D, é aumentar o valor de h^2 . Aumentando o valor de h^2 faz com que a função ϕ se relacione com pontos mais afastados dando impressão que as espiras são menores, ao fazer isto na realidade estamos nos afastando da rede.

No que se segue serão realizadas simulações para o estudo dos parâmetros de reprodução r e predação p.

Para a quarta simulação iremos usar D = 0, 2, p = 0, 1, r = 0, 8, ou seja o parâmetro p < r.

Para comparar com a simulação anterior foi realizado uma quinta simulação mas agora com os valores de r e p alternados r < p.

Ao comparar a Figura 3.10 com a Figura 3.11, é notável a diferença de densidade de vazios na rede. Para analisar esta diferença foi confeccionado uma figura apenas com a espécie vazios.

Pelo que se pode notar na Figura 3.12 na Figura 3.13 quando aumentamos a taxa de reprodução em relação a de predação a densidade de vazios na rede diminui. Faz todo sentido afinal com uma taxa de reprodução menor que a taxa de predação a cada geração a densidade de vazios diminui. Em contrapartida ao aumentar a taxa de predação em relação a taxa de reprodução há um aumento na densidade de vazios na rede. É coerente



Figura 3.10: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro D = 0, 2, p = 0, 1 e r = 0, 8.



Figura 3.11: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com os seguintes parâmetro D = 0, 2, p = 0, 8 e r = 0, 1.

com a realidade pois aumentando a taxa de predação é criado uma maior densidade maior de vazios, como a taxa de reprodução é pequena há o predomínio da densidade de vazios na rede, vale ressaltar que a densidade de vazios se encontra na interface entre duas espécies diferentes.

3.3 Função de Autocorrelação

A seguir será estudado a função de autocorrelação nas simulações com o Modelo de May- Leonard.



Figura 3.12: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com apenas a espécie vazio D = 0, 2, p = 0, 1, r = 0, 8.

Foram calculada as funções de autocorrelação em todas as simulações com o Modelo de May-Leonard com exceção a primeira simulação, a que foi feita com D = 0, pois a rede congelou e não evoluiu.

E perceptível que em todas as Figuras 3.14 a função de autocorrelação apresenta um comportamento semelhante. A medida que a o valor de r aumenta o valor de |C(r)| diminui. Em alguns casos está diminuição acontece de fora mais suave como mostra a figura 3.14a e em outras de maneira mais brusca conforme mostra a figura 3.14d. A seguir foi feito uma confeccionado uma figura com o tamanho das espirais e o valor de |C(r)|.

É possível notar a largura das espirais se relacionado com o valor de |C(r)|, quanto maior é o valor de |C| maior é largura das espirais. Para analisar o fato apresentado anteriormente, é necessário entender a definição de função de Correlação. A função de autocorrelação mostra como a uma função f se relaciona com ela mesmo ao longo da rede. Uma espiral muito grande, se relaciona com ela mesmo ao longo da rede por uma grande extensão da rede. Para uma espiral muito pequena, a relação come ela mesma ocorre por uma extensão menor durante a rede. Ao calcular a função de correlação nas simulações é perceptível que o valor calculado em |C(r = 0, 5)| gera o valor médio da largura das espirais da rede conforme mostra o gráfico 3.15.



Figura 3.13: Nesta sequência temporal de imagens é mostrado a evolução da rede com apenas a espécie vazio D = 0, 2, p = 0, 8 e r = 0, 1.



Figura 3.14: Nesta sequência imagens é temos os gráficos com a função de correlação em todas as simulações.



Figura 3.15: Nesta sequência imagens é comparado o valor da função de correlação com o tamanho das espirais onde |C(r)| é o valor da função de auto correlação para 0,5.

Conclusões

Neste trabalho estudamos a dinâmica de população por meio do modelo de May-Leonard e do modelo estocástico, ambos seguindo as regras do jogo pedra tesoura e papel. Realizamos simulações com diferentes valores para a mobilidade, partindo da mobilidade zero até uma mobilidade alta. Durante estas simulações foi verificado que o termo de mobilidade gera espirais triplas com três espécies. Em casos em que a mobilidade foi zero vimos que o modelo de May-Leonard e o modelo estocástico divergem, enquanto que no modelo de May-Leonard a rede não evolui no modelo estocástico a rede evolui formando ilhas isoladas de cada espécie. Foi também investigado a relação do tamanho das espirais com o valor da mobilidade, foi visto que quando aumentamos a mobilidade aparentemente aumentamos o tamanho das espirais mas, na realidade aumentando a mobilidade estamos dando uma ampliação na rede. O mesmo vale para o caso contrario, quando diminuímos a mobilidade. Além da ação de mobilidade também foi estudado o papel da predação e reprodução na rede. Foi analisado que ao tomar uma valor de predação muito alto e mobilidade e reprodução baixo, no modelo estocástico a formação das espirais é comprometida. No modelo de May-Leonard quando comparadas simulações com alta taxa de reprodução e baixa taxa de mobilidade e predação, com o cenário contrario, alta taxa de predação e baixa taxa de reprodução e mobilidade, a densidade de vazios na rede se mostrá diferente. É perceptível que a densidade de vazios se encontra nas interfaces entre duas espécies.

E por fim, foi estudado a função de autocorrelação no modelo de May-Leonard. Com objetivo de investigar em como cada espécie se relaciona com ela mesmo ao longo da rede. Ao observara os gráficos é verificado como todos tem o mesmo comportamento. Eles decrescem ao longo da rede, para mobilidade alta este decréscimo acontece de maneira mais suave enquanto que para uma baixa mobilidade o decréscimo acontece de maneira mais brusca. Foi investigado também a relação da função de autocorrelação com o tamanho médio da largura de cada espiral, foi verificado que o valor da autocorrelação é aproximadamente o valor da largura das espirais.

Entre as perspectivas de trabalhos futuros, pretendemos calcular a função de autocorrelação no modelo estocástico, implementar modelos com um número de espécies maior, realizar simulação com modelo RPS bidirecional e incluir termos como canibalismo.

Código

Seguem os códigos dos programas, escritos em linguagem C, que foram utilizados para gerar os resultados mostrados durante este trabalho. Para compilar os códigos é necessário o uso das bibliotecas *math*, *FFTW*, e *GNU scientific Libary*.

Modelo de May-Leonard

```
#include <complex.h>
1
  #include <fftw3.h>
2
   #include <stdio.h>
3
  #include <stdlib.h>
4
  #include <gsl/gsl rng.h>
5
   #include <time.h>
6
  #include <math.h>
7
  #define Nx 500 // número de colunas da rede
8
  #define Ny 500 // número de linhas da rede
9
  #define dt 0.1 // passo temporal
10
  #define p 0.1 // constante predativa
11
  #define rp 0.8 //constante reprodutiva
12
   #define D 0.2 // constante difusiva
13
   #define Ns 4 // número de espécies
14
   #define Np 200 // número de pontos
15
   #define NG 100000 // numero de gerações*10
16
   #define NF 2 // número de arquivos de saída
17
18
   void op(double **phi, int counter); //chamada para arquivos de saída
19
   void ic(double **phi, int seed); // chamada para início da rede
20
   void cr(int t, double *phi); // chamada para a correlação
21
   int main (int argc, char **argv){
22
   int i, j, seed, counter =1;
23
   int jp1, im1, ip1, jm1, n= 1;
24
   int l = NG/NF;
25
   int k, z;
26
   double t = 0;
27
   double p1_temp[Nx*Ny], p2_temp[Nx*Ny], p3_temp[Nx*Ny], p0_temp[Nx*Ny],
28
   final[Nx*Ny];
29
   double **phi;
30
31
32
   phi = calloc(Ns, sizeof(double *));// alocação de memoria
33
   for (i=0; i<Ns; i++){</pre>
34
     phi[i] = calloc((Nx*Ny), sizeof(double ));
35
36
   }
37
   if (argc == 2){
38
    seed= atoi(argv[1]);
39
   }else{
40
```

```
seed= time (0);
41
   }
42
43
44
   ic(phi, seed); //início da rede
45
   op(phi, 0); // impressão da rede no tempo t=0
46
   for (n=0; n<NG; n++){ // laco temporal</pre>
\overline{47}
   t = t +dt; //controle temporal
48
49
   for (j=0; j < Ny; j++){ //laco espacial para as linhas durante o passo</pre>
50
                             //intemedário
51
52
     jp1 = (j + 1) % Ny; //definição do primeiro vizinho a direita
53
     jm1 = (j - 1 + Ny) % Ny; //definição do primeiro vizinho a esquerda
54
55
     for( i=0; i < Nx; i++){ //laço espacial para as colunas durante o</pre>
56
                                //passo intemedário
57
58
      ip1 = (i + 1) % Nx; //definição do primeiro vizinho acima
59
      im1 = (i - 1 + Nx) % Nx; //definição do primeiro vizinho abaixo
60
61
      //Passos intermediários para as 3 espécie
62
      p1 temp[i+j*Ny] = phi[1][i+j*Ny] + 0.5*dt*(rp*phi[1][i+j*Ny]*
63
                             phi[0][i+j*Ny] - p*phi[1][i+j*Ny]*phi[2][i+j*Ny] +
64
                        (phi[1][ip1+j*Ny] + phi[1][im1+j*Ny] +
65
                             phi[1][i+jm1*Ny] + phi[1][i+jp1*Ny] -
66
                             4*phi[1][i+j*Ny])*D);
67
68
      p2 temp[i+j*Ny] = phi[2][i+j*Ny] + 0.5*dt*(
69
                          rp*phi[2][i+j*Ny]*phi[0][i+j*Ny]
70
                          -p*phi[2][i+j*Ny]*phi[3][i+j*Ny] +
71
                        (phi[2][ip1+j*Ny] + phi[2][im1+j*Ny]+
72
                         phi[2][i+jm1*Ny] + phi[2][i+jp1*Ny]
73
                        - 4*phi[2][i+j*Ny])*D);
74
75
      p3 temp[i+j*Ny] = phi[3][i+j*Ny] + 0.5*dt*(
76
                          rp*phi[3][i+j*Ny]*phi[0][i+j*Ny] -
77
                          p*phi[3][i+j*Ny]*phi[1][i+j*Ny] +
78
                        (phi[3][ip1+j*Ny] + phi[3][im1+j*Ny] +
79
                        phi[3][i+jm1*Ny] + phi[3][i+jp1*Ny] -
80
                        4*phi[3][i+j*Ny])*D);
81
82
          //passo intemediário para espécie vazio
83
      p0 \text{ temp}[i+j*Ny] = phi[0][i+j*Ny] + 0.5*dt*(
84
                          -rp*phi[1][i+j*Ny]*phi[0][i+j*Ny] -
85
                          rp*phi[2][i+j*Ny]*phi[0][i+j*Ny] -
86
                          rp*phi[3][i+j*Ny]*phi[0][i+j*Ny] +
87
                        p*phi[1][i+j*Ny]*phi[2][i+j*Ny] +
88
```

```
p*phi[2][i+j*Ny]*phi[3][i+j*Ny] +
89
                        p*phi[3][i+j*Ny]*phi[1][i+j*Ny] +
90
                        (phi[0][ip1+j*Ny] + phi[0][im1+j*Ny] +
91
                        phi[0][i+jp1*Ny] + phi[0][i+jm1*Ny]
92
                        - 4*phi[0][i+j*Ny])*D);
93
      }
94
     }
95
96
    for (j=0; j<Ny; j++){ //laço espacial para as linhas durante o passo final
97
      jp1 = (j + 1) % Ny; //definição do primeiro vizinho a direita
98
      jm1 = (j - 1 + Ny) % Ny; //definição do primeiro vizinho a esquerda
99
100
      for( i=0; i < Nx; i++){ //laço espacial para as colunas durante o</pre>
101
                                //passo final
102
103
       ip1 = (i + 1) % Nx; // definição do primeiro vizinho acima
104
       im1 = (i - 1 + Nx) % Nx; //definição do primeiro vizinho abaixo
105
106
         //passo final das 3 espécies
107
       phi[1][i+j*Ny] = phi[1][i+j*Ny] + dt*(
108
                         rp*p1 temp[i+j*Ny]*p0 temp[i+j*Ny] -
109
                         p*p1 temp[i+j*Ny]*p2 temp[i+j*Ny] +
110
                      (p1\_temp[ip1+j*Ny] + p1\_temp[im1+j*Ny] +
111
                       p1 temp[i+jm1*Ny] + p1 temp[i+jp1*Ny] -
112
                       4*p1 temp[i+j*Ny])*D);
113
114
       phi[2][i+j*Ny] = phi[2][i+j*Ny] + dt*(
115
                         rp*p2_temp[i+j*Ny]*p0_temp[i+j*Ny] -
116
                         p*p2 temp[i+j*Ny]*p3 temp[i+j*Ny] +
117
                      (p2 temp[ip1+j*Ny] + p2 temp[im1+j*Ny] +
118
                      p2 temp[i+jm1*Ny] + p2 temp[i+jp1*Ny] -
119
                      4*p2 temp[i+j*Ny])*D);
120
121
       phi[3][i+j*Ny] = phi[3][i+j*Ny] + dt*(
122
                         rp*p3_temp[i+j*Ny]*p0_temp[i+j*Ny] -
123
                         p*p3 temp[i+j*Ny]*p1 temp[i+j*Ny] +
124
                      (p3_temp[ip1+j*Ny] + p3_temp[im1+j*Ny] +
125
                      p3_temp[i+jm1*Ny] + p3_temp[i+jp1*Ny] -
126
                      4*p3_temp[i+j*Ny])*D);
127
128
         //passo final do vazio
129
       phi[0][i+j*Ny] = phi[0][i+j*Ny] + dt*(
130
                        -rp*p0 temp[i+j*Ny]*p1 temp[i+j*Ny] -
131
                         rp*p0 temp[i+j*Ny]*p2 temp[i+j*Ny]
132
                       rp*p0_temp[i+j*Ny]*p3_temp[i+j*Ny] +
133
                       p*p1_temp[i+j*Ny]*p2_temp[i+j*Ny] +
134
                       p*p2_temp[i+j*Ny]*p3_temp[i+j*Ny] +
135
                       p*p3_temp[i+j*Ny]*p1_temp[i+j*Ny] +
136
```

```
(p0_temp[ip1+j*Ny] + p0_temp[im1+j*Ny]
137
                        + p0_temp[i+jm1*Ny] + p0_temp[i+jp1*Ny] -
138
                        4*p0 temp[i+j*Ny])*D);
139
140
141
     }
142
143
      }
144
      if (((n+1)%1)== 0){ // laço para contagem de arquivos
145
       op(phi, counter); //saída da rede
146
       counter++;
147
       }
148
    }
149
    cr(1,phi[1]);// Cálculo da correlação
150
    return 0;
151
    }
152
153
    void op(double **phi, int counter){ // saída da rede
154
    int i ,j;
155
    double pi;
156
    FILE*out;
157
    char name[64];
158
    //geração de arquivo de saída para as três espécies 1, 2, 3
159
    sprintf(name, "p i-%d.dat", counter);
160
    out= fopen(name, "w");
161
    for (j=0; j < Ny; j++){ //laço para as colunas</pre>
162
     for (i=0; i < Nx; i++){ // laco para as linhas</pre>
163
     // impressão do valor das três espécies no sítio (i,j)
164
     fprintf(out, "%f ", phi[1][i+j*Ny]+2*phi[2][i+j*Ny]+3*phi[3][i+j*Ny]);
165
      }
166
    fprintf(out,"\n");
167
     }
168
169
    fclose(out);
170
    //geração de arquvios de saída para o vazio
171
    sprintf(name, "p e-%d.dat", counter);
172
    out= fopen(name, "w");
173
    for (j=0; j < Ny; j++){//laço para as colunas</pre>
174
     for (i=0; i < Nx; i++){//laço para as linhas</pre>
175
     // impressão do valor do vazio no sítio (i,j)
176
     fprintf(out, "%f ", phi[0][i+j*Ny]);
177
      }
178
    fprintf(out,"\n");
179
     }
180
    fclose(out);
181
    }
182
183
184
```

```
void ic(double **phi, int seed){// função para gerar início da rede
185
    int i, j;
186
    const gsl_rng_type * U;
187
     gsl_rng * u;
188
     gsl rng default seed= seed;
189
     U= gsl_rng_default;
190
     u= gsl_rng_alloc (U); //gerador aleatório da rede
191
192
193
194
    for (i = 0; i < Nx ; i++){ // laço para as colunas</pre>
195
     for (j = 0; j < Ny ; j++){ //laço para as linhas</pre>
196
       int S = 4 * gsl_rng_uniform (u); //geração do valor aleatório
197
      switch (S){
198
      case 1:
199
      phi[1][i+j*Ny] = 1; // alocação para espécie 1
200
      break;
201
202
      case 2:
203
      phi[2][i+j*Ny] = 1; // alocação para espécie 2
204
      break;
205
206
      case 3:
207
      phi[3][i+j*Ny] = 1; // alocação para espécie 3
208
      break;
209
210
      case 0:
211
      phi[0][i+j*Ny] = 1; // alocação para o vazio
212
      break;
213
       }
214
     }
215
    }
216
217
218
    gsl_rng_free (u);
219
    }
220
221
    void cr(int t, double *phi){
222
223
    int x, y, l, N;
224
    double r;
225
    double *C_r;
226
    FILE *output;
227
    char name[64];
228
229
    C_r = calloc((Nx*Ny), sizeof(double));
230
231
    // transformada de fourier do campo phi
232
```

```
233
    fftw complex *out1 = fftw malloc(sizeof(fftw complex)*(Nx*Ny));
234
    fftw plan FTF1= fftw plan dft r2c 2d(Ny, Nx, phi, out1, FFTW ESTIMATE);
235
    fftw execute(FTF1);
236
    // calculo da funcao S(\vec{k}) a função e correlação -FTF- Transformada
237
238
    for(N=0; N < Nx*Ny; N++){</pre>
239
    out1[N] = conj(out1[N])*out1[N];
240
    }
241
242
    // inversa da funcao S(\vec{k}) -FTB- Transformada inversa
243
244
    fftw_plan FTB= fftw_plan_dft_c2r_2d(Ny, Nx, out1, C_r, FFTW_ESTIMATE);
245
    fftw_execute(FTB);
246
247
    //calculo da função C(r) normalizada a partir da função C(\vec{r})
248
249
    int norm[Np];
250
    double delta_r = sqrt(Nx*Ny*2)/Np;\
251
    double C[Np], mean_r[Np];
252
253
    for ( l=0; l<Np; l++){</pre>
254
    norm[1] = 0;
255
    C[1]=0.0;
256
    mean_r[1] =0.0;
257
    }
258
259
     for(y=0 ; y<Ny; y++){</pre>
260
      for(x=0; x<Nx; x++){</pre>
261
      r= sqrt((x*x)+(y*y));
262
      l= (int)(r/delta r);
263
      norm[1]++;
264
      mean r[1]+= r;
265
      C[1] += C_r[y*Nx+x];
266
      }
267
     }
268
269
    double MAX = 0.0;
270
     for (l= 0; l< Np; l++){</pre>
271
     mean r[1]/= (double)(norm[1]);
272
     C[1]/= (double)(norm[1]);
273
      if(C[1]> MAX){
274
      MAX=C[1];
275
      }
276
     }
277
    //impressão do valor da função de Autocorrelação
278
     if((output= fopen("data.dat", "w")) ==NULL){}
279
     for(l=0; l<Np; l++){</pre>
280
```

```
fprintf(output,"%e %e\n", mean_r[1], C[1]/MAX);
281
     }
282
     fclose(output);
283
    //liberação de memória
284
     free(C r);
285
     fftw_destroy_plan(FTF1);
286
     fftw_destroy_plan(FTB);
287
     fftw free(out1);
288
     fftw_cleanup();
289
    }
290
291
```

Modelo Estocástico

Para as simulações foi utilizado o seguinte código [1], foram feitas modificações no código para o mesmo se adequar as nossas simulações.

```
#include <stdio.h>
1
   #include <time.h>
2
   #include <gsl/gsl_rng.h>
3
   #include <math.h>
4
   #define Nx 500 //número de counas
5
   #define Ny 500 // número de linhas
6
   #define pm 0.1 // peso da predação
7
   #define pr 0.8 // peso da reprodução
8
   #define NG 10000 // número de gerações
9
   #define NF 3 // número de arquivos de saída
10
11
   const double pp[3][3]={\
12
    \{-1.0, 1.0, 0.0\}, \setminus
13
    \{0.0, -1.0, 1.0\}, \setminus
14
    \{1.0, 0.0, -1.0\}, \setminus
15
   };
16
17
   void op(int, int *phi); // geração de arquivos de saída
18
   void ic(int *phi, int seed); // início da rede
19
20
   int main(int argc, char **argv){
21
   int seed;
22
   int i, j, n, ni, nj, m, teste, ativo, passivo, vizinho, counter, n_log=22;
23
   int l = NG/NF;
^{24}
   int *phi;
25
   double p;
26
   FILE *output;
27
   const gsl_rng_type*W;
28
    gsl rng *w;
29
    //gsl_rng_env_setup();
30
    gsl rng default seed= seed;
31
```

```
W = gsl_rng_default;
32
    w = gsl rng alloc (W);
33
34
    output = fopen("Ext.dat", "a");
35
36
    phi = calloc((Nx * Ny), sizeof(int)); //alocação de memória
37
38
   //definições do gerador de números aleatórios
39
   if (argc == 2){
40
    seed= atoi(argv[1]);
41
   }else{
42
    seed= time (0);
43
   }
44
45
46
    ic(phi, seed);// início da rede
47
    counter=1;
48
    for (n=0; n<NG; n++){// laço para controle das gerações</pre>
49
     for (m=0; m < Nx*Ny; m++){ //laço para controle de sorteios</pre>
50
        i= gsl_rng_uniform(w)*Nx; //sorteio da coluna para o ativo
51
      j= gsl rng uniform(w)*Ny; //sorteio da linha para o ativo
52
      ativo = j*Nx+i; //definição do ativo
53
54
      if(phi[ativo] != 0){
55
        vizinho = gsl rng uniform (w)*4;//sorteio do passivo
56
        switch (vizinho){
57
        case 0:
58
        passivo= j*Nx+(i+1+Nx)%Nx; //definição do primeiro
59
                                      //vizinho a direita
60
       break;
61
        case 1:
62
        passivo= j*Nx+(i-1+Nx)%Nx; //definição do primeiro
63
                                      //vizinho a esquerda
64
        break;
65
        case 2:
66
        passivo= ((j+1+Ny)%Ny)*Nx+i; //definição do primeiro vizinho acima
67
        break;
68
        case 3:
69
        passivo= ((j-1+Ny)%Nx)*Nx+i;// definição do primeiro
70
                                       //vizinho abaixo
71
       break;
72
        }
73
74
        p = gsl_rng_uniform(w);
75
                                        //ação de mobilidade
        if(p<pm){</pre>
76
        teste = phi[ativo];
77
        phi[ativo]=phi[passivo];
78
        phi[passivo]=teste;
79
```

```
}
80
        else{
81
           if(p>=pm && p< (pm + pr)){
82
           if(phi[passivo] ==0){
                                      //ação de reprodução
83
           phi[passivo] = phi[ativo] ;
84
           }
85
         }
86
        else {
87
           p=gsl_rng_uniform(w); //ação de predação
88
          if(p<pp[phi[ativo]-1][phi[passivo]-1]){</pre>
89
           phi[passivo] = 0;
90
           }
91
          }
92
        }
93
       }
94
     }
95
      if ((n%1)== 0){ // contagem de aquivos de saída
96
       op(counter, phi);
97
        counter++;
98
       }
99
      }
100
      gsl_rng_free (w);
101
      free (phi);
102
      fclose(output);
103
104
     return 0;
105
    }
106
107
    void op(int k, int *phi){ //saída da rede
108
     int i, j;
109
     FILE *out;
110
     char nome[100];
111
112
     sprintf(nome, "saida-%d.dat",k);// geração do arquivo de saida da rede
113
                                          //para todas as espécies
114
     out = fopen(nome, "w");
115
116
     for (j=0; j<Nx; j++){ //laço para controle de colunas</pre>
117
      for (i=0; i < Ny ; i++){ //laço para controle de linhas</pre>
118
       fprintf( out, "%d ", phi[j*Nx+i] ); //impressão do valor
119
                                                 // no sítio (i,j)
120
      }
121
      fprintf(out,"\n");
122
     }
123
     fclose(out);
124
    }
125
126
     void ic(int *phi, int seed){ // início da rede
127
```

```
const gsl_rng_type *W;
128
      //definições do gerador aleatório de números
129
     gsl rng *w;
130
     gsl_rng_default_seed= seed;
131
     W = gsl_rng_default;
132
     w = gsl_rng_alloc (W);
133
134
     int i, j, counter;
135
136
     //distribuição das espécies na rede
137
     for (i=1; i<4; i++){</pre>
138
     counter= 1;
139
     while(counter<Nx*Ny*0.33333){</pre>
140
      j= gsl_rng_uniform(w)*Nx*Ny;
141
      if(phi[j]== 0){
142
      phi[j]=i;
143
      counter++;
144
      }
145
     }
146
     }
147
148
     op(0,phi);// impressão da rede no tempo t=0
149
     gsl_rng_free (w);
150
     }
151
```

Referências Bibliográficas

- [1] R. D. Bini, *Estudos da biodiversidade utilizando o jogo pedra-papel-tesoura*. Trabalho de Conclusão de Curso, Universidade Estadual de Maringá, Maringá, Parana, 2014.
- [2] M. W. F. B. Kerr, M. A. Riley and B. J. M. Bohannan, "Local dispersal promotes biodiversity in a real-life game of rock-paper-scissors," *Nature*, vol. 418, p. 171, (2002).
- [3] M. M. T. Reichenbach and E. Frey, "Mobility promotes and jeopardizes biodiversity in rock-paper-scissors games," *Nature*, vol. 448, p. 1046, (2007).
- [4] C. Scherer, *Métodos Computacionais da Física*. Editora Livraria da Física, (2005).
- [5] M. Hjorth-Jensen, Lecture Notes on Computational Physics. University of Oslo, (2008). Disponível em: http://www.physics.ohio-state.edu/~ntg/780/ readings/hjorth-jensen_notes2008.pdf> Acesso em: 29 Nov. 2011.
- [6] E. Butkov, *Física Matemática*. LTC Livros Técnicos e Cientifícos Editora S.A., (1988).
- [7] Wikipédia, "Autocorrelação wikipédia, a enciclopédia livre," (2014). [Online; accessed 10-fevereiro-2016].
- [8] P. P. Avelino, D. Bazeia, L. Losano, J. Menezes, and B. F. Oliveira, "Junctions and spiral patterns in generalized rock-paper-scissors models," *Phys. Rev. E*, vol. 86, p. 036112, Sep (2012).
- [9] P. Avelino, D. Bazeia, J. Menezes, and B. de Oliveira, "String networks in lotka-volterra competition models," *Physics Letters A*, vol. 378, no. 4, pp. 393 – 397, (2014).
- [10] Wikipédia, "Vizinhança de von neumann wikipédia, a enciclopédia livre," (2015).
 [Online; accessed 10-fevereiro-2016].
- [11] P. P. Avelino, D. Bazeia, L. Losano, J. Menezes, and B. F. de Oliveira, "Interfaces with internal structures in generalized rock-paper-scissors models," *Phys. Rev. E*, vol. 89, p. 042710, Apr (2014).